
THIERRY CHEKOUO TEKOUANG, UT MD Anderson Cancer Center

Un modèle prédictif bayésien pour la génétique d'imagerie avec application à la schizophrénie

Dans cet exposé, j'introduis un modèle bayésien intégratif de prédiction du risque qui permet de distinguer les patients schizophrènes des contrôles sains, basé sur un ensemble clairsemé de ROI (régions d'intérêt) et de SNP (polymorphisme d'un seul nucléotide) discriminantes. Une inférence sur un réseau régulateur entre les ROI et les SNP est utilisée dans une modélisation unifiée pour informer la sélection de ROI et de SNP discriminantes. En se servant d'études de simulations, nous évaluons la performance de notre méthode, et nous l'appliquons à des données de schizophrénie. Nous confirmons que certains bio-marqueurs impliqués dans le réseau ROI-SNP sont potentiellement discriminants.