
LI LI, Dalhousie University

Nouvelle approche pour détecter la recombinaison génétique dans la phylogénèse

La recombinaison génétique est un processus dans lequel les parties de différents gènes sont combinées pour former un nouveau gène. La recombinaison a de nombreux effets sur l'analyse phylogénétique de séquences d'ADN, et doit être identifiée correctement. Nous proposons un nouvel algorithme permettant de détecter la recombinaison en fonction de la matrice locale du logarithme de la vraisemblance. Cette méthode informatique est efficace et montre de grandes capacités à détecter des recombinaisons. Le rendement de cette méthode est évalué au moyen d'exemples de données simulées et réelles. Les résultats sont comparés avec ceux d'autres méthodes.