
FARHAD SHOKOOHI, McGill University

Analyse de données de méthylation de l'ADN : une comparaison des outils d'analyse disponibles

Le nombre d'études portant sur la méthylation de l'ADN a beaucoup augmenté depuis quelques années, grâce aux progrès technologiques. Ces études engendrent la production de données à haut débit, permettant aux chercheurs de comprendre les profils de méthylation ainsi que leur rôles régulateurs dans les processus biologiques menant aux maladies. Plusieurs logiciels permettent d'analyser ces données, mais il est encore difficile pour les praticiens de choisir la méthode la plus efficace. Le but de cette présentation est de comparer les outils statistiques disponibles au travers de données réelles et simulées, afin d'établir leur efficacité, leur validité et leur utilité.