

---

**CELIA GREENWOOD**, McGill University  
*Méthodes d'analyse pour la méthylation de l'ADN*

La méthylation contrôle l'activité de l'ADN en bloquant l'accès aux endroits méthylés dans le génome. Ce phénomène, spécifique à chaque type de cellule, est un des déterminants de la spécificité cellulaire. Les profils de méthylation peuvent varier en fonction de l'âge, de la maladie, et d'autres facteurs environnementaux. Puisque la méthylation est mesurée à l'aide de méthodes expérimentales à haut débit, l'analyste est confronté aux problèmes associés avec les jeux de données de grande taille, ainsi qu'à des biais techniques, et à des corrélations de longue portée. La présentation discutera quelques approches analytiques propres à ce genre de données, se concentrant, en particulier, sur l'étude de formes locales de méthylation, incluant des méthodes de réduction de dimension et d'analyse fonctionnelle.