

---

**RAJAT MALIK**, University of Guelph

*Modéliser la propagation de l'influenza dans les ménages de Hong Kong*

Les modèles de niveau individuel (ILM) peuvent être utilisés pour modéliser l'étendue de maladies infectieuses en temps discret. Une caractéristique clé des ILM est qu'ils peuvent prendre en compte l'information sur des covariables propres aux individus infectés ou susceptibles de l'être, ainsi que des covariables communes telles que la géographie ou des mesures de contact. Dans notre exposé, les ILM sont ajustés dans un contexte bayésien à l'aide de techniques de chaînes de Markov Monte Carlo pour étudier l'influenza dans les ménages de Hong Kong en 2009. L'objectif principal est d'estimer l'effet de la vaccination sur le risque d'infection et de choisir un modèle qui décrit le mieux possible la propagation de la maladie