

---

**ZHIJIAN CHEN**, Samuel Lunenfeld Research Institute

*Plans stratifiés séquentiels à deux phases pour séquençage régional suite à une étude d'association pangénomique : une approche bayésienne*

Dans les études de suivi ciblées, les chercheurs séquentent parfois une région génomique d'intérêt au niveau des paires de bases pour identifier des variantes causales. Nous étudions les plans bayésiens séquentiels à deux phases où certains sujets sont sélectionnés parmi les catégories de génotype d'un marqueur génétique, puis séquencés dans une région cible. À chaque point d'échantillonnage, nous appliquons la combinaison bayésienne pour tenir compte de l'incertitude génétique du modèle et une stratégie de répartition de la taille de l'échantillon adaptative pour améliorer l'efficacité d'estimation du paramètre d'association génétique. Nous présentons des résultats numériques pour divers caractères quantitatifs et binaires.