
ZEYNEP BASKURT, University of Toronto

Approche de vraisemblance composite par le paradigme de preuves pour analyser l'association génétique dans les lignées

Royall (1997) a proposé le paradigme de preuves comme alternative aux paradigmes fréquentistes et bayésiens pour interpréter les données comme preuves. Celui-ci utilise le rapport de vraisemblance (RV) de deux hypothèses simples comme mesure objective de la solidité des preuves statistiques. Dans les études génétiques, les RV servent souvent à évaluer la preuve, mais celle-ci est difficile à établir en présence de structures familiales très complexes. Nous utilisons des vraisemblances composites pour construire des RV permettant l'analyse probante des familles. Nous expliquons comment protéger ces RV contre les erreurs de spécification du modèle et montrons qu'elles présentent de bonnes caractéristiques opérationnelles et sont compatibles avec les modèles concurrents.