

---

**BINOD NEUPANE**, McMaster University

*Métab-analyse multivariée dans les études d'association génétique*

Pour les méta-analyses, des approches multivariées peuvent être préférables aux approches univariées pour estimer des paramètres fondés sur des phénotypes corrélés. Dans les études d'association génétique, les données manquantes sont rares et les associations généralement très faible ou modestes, et peuvent être hétérogènes. Donc, on s'inquiète de détecter de telles associations et de les estimer de façon précise et sans biais. Nous utilisons des simulations pour étudier la performance de méthodes de méta-analyse multivariées. Nos résultats préliminaires suggèrent que sous certains scénarios, les techniques multivariées performant mieux en terme de puissance, de couverture et de biais. Nous présenterons des résultats détaillés de notre analyse comparative pour différents scénarios réalistes.