

---

**ROB DEARDON**, University of Guelph

*Approche prédictive a posteriori pour l'adéquation de modèles de maladies infectieuses*

Dans les modèles non linéaires complexes tels que les modèles de maladies infectieuses spatio-temporels, il n'est pas toujours évident de déterminer l'adéquation. De tels modèles sont souvent ajustés dans un cadre statistique bayésien, puisqu'un tel contexte est idéal pour tenir compte des diverses formes d'incertitude dans les données. Dans un contexte bayésien, la distribution prédictive a posteriori constitue un outil remarquable pour évaluer l'adéquation. Ici, nous examinons diverses variables de test et déterminons, dans quelle mesure elles permettent de détecter les erreurs de spécification du modèle à l'aide d'une étude de simulation.